Horticulture Research

Table of Contents 2023

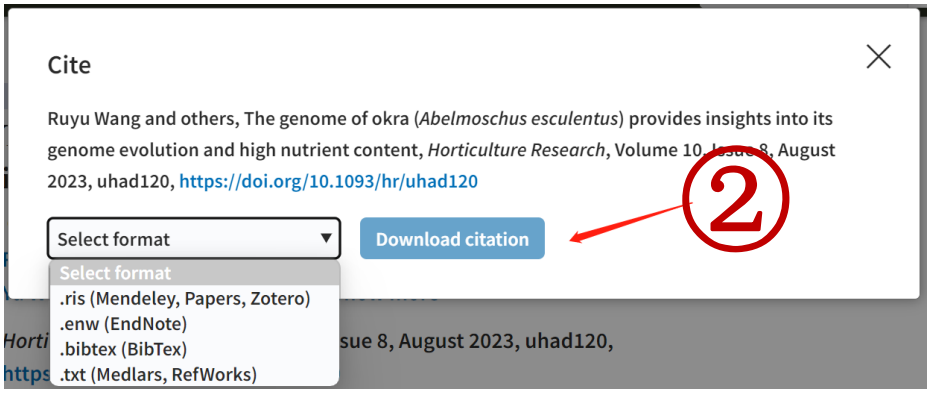
文章目录下载链接：https://www.hortres.com/admin/upload/20240313110234_270.pdf
扫码下载文章目录电子版

如何将 *Horticulture Research* 的文章导入自己的文献管理软件？

第一步：点击标题下方使用引文图标 Cite

第二步：根据自己使用的文献管理软件选择之后，导入文章。

目前支持 Mendeley、Papers、Zotero、EndNote、BibTex、Medlars、RefWorks 软件的导入。



Recoloring tomato fruit by CRISPR/Cas9-mediated multiplex gene editing
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac214
微信导读：Hortic Res | 中科院遗传发育所李传友组通过多重基因编辑实现番茄多种果色的快速同步定制

Genome-wide characterization of the tomato GASA family identifies SlGASA1 as a repressor of fruit ripening
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac222
微信导读：Hortic Res | 四川大学刘明春组发现赤霉素响应基因 SlGASA1 抑制番茄果实成熟的分子机制

PpTCP18 is upregulated by lncRNA5 and controls branch number in peach (*Prunus persica*) through positive feedback regulation of strigolactone biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac224
微信导读：Hortic Res | 河南农业大学谭彬/冯建灿团队发现 PpTCP18 受 lncRNA5 上调并通过调控独脚金内酯生物合成控制桃的分枝数

Application of machine learning to explore the genomic prediction accuracy of fall dormancy in autotetraploid alfalfa
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac225
微信导读：Hortic Res | 机器学习算法可准确预测紫花苜蓿秋眠性

X-ray imaging of 30 year old wine grape wood reveals cumulative impacts of rootstocks on scion secondary growth and Ravaz index
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac226
30 年树龄酿酒葡萄木材的 X 射线成像揭示了砧木对接穗二次生长和 Ravaz 指数的累积影响

The Essential Role of Jasmonate Signaling in *Solanum habrochaites* Rootstock-mediated Cold Tolerance in Tomato Grafts
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac227
微信导读：Hortic Res | 华中农大别之龙/欧阳波教授团队揭示多毛番茄提高耐冷性的新机制

Telomere-to-telomere genome assembly of bitter melon (*Momordica charantia* L. var. *abbreviata* Ser.) reveals fruit development, composition and ripening genetic characteristics
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac228
苦瓜（癞葡萄）的 T2T 基因组揭示了果实发育、组成和成熟遗传特性

Targeted approaches to improve tomato fruit taste
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac229
有针对性的改善番茄果实口感的途径

The characteristics of mRNA m^6A methylomes in allopolyploid *Brassica napus* and its diploid progenitors
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac230
微信导读：Hortic Res | 武汉大学揭示甘蓝型油菜形成与进化过程中 mRNA 甲基化调控特征

Diploid Chromosome-level Reference Genome and Population Genomic Analyses Provide Insights into Gypenoside Biosynthesis and Demographic Evolution of *Gynostemma pentaphyllum* (Cucurbitaceae)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac231
微信导读：西北大学赵桂仿教授和李忠虎教授团队破译绞股蓝高质量基因组并揭示其群体进化历史

Genic Male and Female Sterility in Vegetable Crops
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac232
微信导读：Hortic Res 综述 | 中国农业大学张小兰课题组发表蔬菜育性研究进展的综述文章

High-resolution genome-wide association study of a large Czech collection of sweet cherry (*Prunus avium* L.) on fruit maturity and quality traits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac233
全基因组关联分析揭示甜樱桃中果实成熟度和品质性状等精确数量性状位点

Resequencing of sweetpotato germplasm resources reveals key loci associated with multiple agronomic traits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac234
微信导读：Hortic Res | 江苏徐州甘薯研究中心曹清河团队通过对甘薯种质资源的重测序揭示了与多个重要农艺性状关联的遗传位点

Reduced γ-glutamyl hydrolase activity likely contributes to high folate levels in Periyakulam-1 tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac235
γ-谷氨酰水解酶活性降低提高了番茄中的叶酸含量

A tomato HD-Zip I transcription factor, VAHOX1, acts as a negative regulator of fruit ripening
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac236
微信导读：Hortic Res | 重庆大学胡宗利教授团队发现番茄 HD - Zip I 转录因子 VAHOX1 是果实成熟的负调控因子

Cucumber *Glossy Fruit 1* (*CsGLF1*) encodes the zinc finger protein 6 that regulates fruit glossiness by enhancing cuticular wax biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac237
微信导读：Hortic Res | 扬州大学陈学好教授团队揭示转录因子 CsZFP6 调控黄瓜果实亮度的遗传机制

The SmMYB36-SmERF6/SmERF115 module regulates the biosynthesis of tanshinones and phenolic acids in *Salvia miltiorrhiza* hairy roots
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac238
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学解析 SmMYB36-SmERF6/SmERF115 调控丹参酮和酚酸类物质生物合成的机制

Molecular characterization of intergeneric hybrids between *Malus* and *Pyrus*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac239
苹果和梨属间杂交种的分子特征

DNA-free genome editing in grapevine using CRISPR/Cas9 ribonucleoprotein complexes followed by protoplast regeneration
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac240
利用 CRISPR/Cas9 技术对葡萄进行无 DNA 基因组编辑和原生质体再生

Gapless genome assembly of azalea and multi-omics investigation into divergence between two species with distinct flower color
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac241
微信导读：Hortic Res | 杜鹃花 gapless 基因组组装及不同花色两个物种间分化的多组学研究

Plant *N*-acylethanolamines play a crucial role in defense and its variation in response to elevated CO_2 and temperature in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac242
植物 *N*-酰基乙醇胺参与番茄对 CO_2 和高温的防御变化

Mitogen-activated protein kinase 14-mediated phosphorylation of MaMYB4 negatively regulates banana fruit ripening
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac243
MAPK14 介导的 MaMYB4 磷酸化负调控香蕉果实成熟

Natural variation in *SlSOS2* promoter hinders salt resistance during tomato domestication SlSOS2
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac244
微信导读：Hortic Res | 安徽农大王镇课题组揭示 SlSOS2 启动子的自然变异阻碍了番茄驯化过程中 SlSOS2 的抗盐性

CsGDH2.1 negatively regulates theanine accumulation in late-spring tea plants (*Camellia sinensis* var. *sinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac245
微信导读：Hortic Res | 安徽农大张照亮教授团队在晚春季茶叶茶氨酸积累的调控机制研究上取得进展

High-throughput discovery of plastid genes causing albino phenotypes in ornamental chimeric plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac246
观赏嵌合体植物中引起白化表型的质体基因的高通量研究

A chromosome-level phased genome enabling allele-level studies in sweet orange: a case study on citrus Huanglongbing tolerance
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac247
利用阶段基因组在等位基因水平上揭示柑橘黄龙病耐受性的分子机制

Integration of semi-*in vivo* assays and multi-omics data reveals the effect of galloylated catechins on self-pollen tube inhibition in *Camellia oleifera*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac248
微信导读：Hortic Res | 中南林业科技大学袁德义教授团队揭示了酯型儿茶素对油茶自交花粉管生长的重要抑制作用

A splicing site mutation in the *FvePHP* gene is associated with leaf development and flowering time in woodland strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac249
微信导读：*FvePHP* 基因的一个剪接位点突变与森林草莓叶片发育和开花时间相关

Natural Variations of HSFA2 enhance thermotolerance in grapevine
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac250
HSFA2 转录因子的自然变异提高了葡萄的耐热性

A cross-species co-functional gene network underlying leaf senescence
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac251
叶片衰老的跨物种共功能基因网络

Interaction of AcMADS68 with transcription factors regulates anthocyanin biosynthesis in red-fleshed kiwifruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac252
AcMADS68 与转录因子互作调控红肉猕猴桃中花色苷的生物合成

Biogenesis of flavor-related linalool is diverged and genetically conserved in tree peony (*Paeonia* × *suffruticosa*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac253
牡丹特征香气物质芳樟醇生物合成的遗传保守与分化

Promoter replacement of *ANT1* induces anthocyanin accumulation and triggers the shade avoidance response through developmental, physiological and metabolic reprogramming in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac254
ANT1 启动子替换诱导番茄花青苷积累，并通过发育、生理和代谢重编程触发避荫反应

The *Pythium periplocum* elicitin PpEli2 confers broad-spectrum disease resistance by triggering a novel receptor-dependent immune pathway in plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac255
果腐霉激发素激发子 PpEli2 通过触发植物中新的受体依赖的免疫途径赋予广谱抗病性

Thioredoxin h2 inhibits MPKK5-MPK3 cascade to regulate the CBF-COR signaling pathway in *Citrullus lanatus* suffering chilling stress
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac256
在低温胁迫下，硫氧还蛋白通过抑制 MPKK5-MPK3 级联反应调控西瓜 CBF-COR 信号通路

Combined effects of temperature and humidity on the interaction between tomato and *Botrytis cinerea* revealed by integration of histological characteristics and transcriptome sequencing
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac257
通过组织特征整合和转录组测序揭示温度和湿度对番茄与灰霉病菌相互作用的综合影响

Overexpression of miR390b promotes stem elongation and height growth in *Populus*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac258
微信导读：Hortic Res | 华中农大植物维管生物学课题组揭示 miR390b 促进杨树高生长机制

Advances in Sequencing and Key Character Analysis of Mango (*Mangifera indica* L.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac259
微信导读：Hortic Res 综述 | 中国农业大学马会勤团队详细综述芒果基因测序和关键性状研究进展

Vacuolar Phosphate Transporter1 (VPT1) may transport sugar in response to soluble sugar status of grape fruits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac260
微信导读：Hortic Res | 北京农学院沈元月/黄芸团队在液泡磷转运体 VPT1 调控果实糖积累的分子机制研究中取得突破性进展

VabHLH137 promotes proanthocyanidin and anthocyanin biosynthesis and enhances resistance to *Colletotrichum gloeosporioides* in grapevine
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac261
微信导读：Hortic Res | VabHLH137 促进原花青素和花色苷的生物合成并增强葡萄对炭疽菌的抗性

Population diversity analyses provide insights into key horticultural traits of Chinese native thymes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac262
微信导读：Hortic Res | 中科院植物所石雷团队从群体多样性分析洞悉中国本土百里香的关键园艺性状

Genome-wide association study of twenty-three flowering phenology traits and four floral agronomic traits in tree peony (*Paeonia* section *Moutan* DC.) reveals five genes known to regulate flowering time
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac263
微信导读：Hortic Res | 河南科技大学侯小改教授团队对牡丹 23 个开花表型性状和 4 个开花农艺性状的全基因组关联研究揭示了 5 个已知的调控开花时间的基因

Telomere-to-telomere and gap-free reference genome assembly of the kiwifruit *Actinidia chinensis*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac264
微信导读：Hortic Res | 猕猴桃 T2T 参考基因组

Genome assembly of wild loquat (*Eriobotrya japonica*) and re-sequencing provide new insights into the genomic evolution and fruit domestication in loquat
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac265
微信导读：Hortic Res | 西南大学梁国鲁教授团队在野生枇杷高质量基因组和种质资源重测序方面取得进展

SbMYB3 transcription factor promotes root-specific flavone biosynthesis in *Scutellaria baicalensis*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac266
微信导读：Hortic Res | 上海辰山植物园赵清团队揭示 MYB 转录因子调控黄芩活性黄酮合成的机制

Theanine, a tea plant specific non-proteinogenic amino acid, is involved in the regulation of lateral root development in response to nitrogen status
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac267
微信导读：Hortic Res | 安徽农大张照亮教授团队揭示茶氨酸调节茶树侧根发育的功能

Mapping and validation of the epistatic *D* and *P* genes controlling anthocyanin biosynthesis in the peel of eggplant (*Solanum melongena* L.) fruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac268
微信导读：广东省农业科学院蔬菜研究所茄果室揭示茄子果皮颜色上位性遗传机制

Haem Oxygenase 1 is a potential target for creating etiolated/albino tea plants (*Camellia sinensis*) with high theanine accumulation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac269
微信导读：Hortic Res | 安徽农业大学张照亮团队在黄化/白化茶树中茶氨酸积累的调控机制研究中取得进展机制

Selenium species transforming along soil-plant continuum and their beneficial roles for horticultural crops
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac270
微信导读：Hortic Res 综述 | 浙江大学李春阳团队综述硒循环过程以及硒对作物的重要作用

Protein subcellular localization and functional studies in horticultural research: problems, solutions, and new approaches
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac271
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学王鹏蔚课题组提出园艺研究中蛋白亚细胞定位的常见问题与解决方案

VvMYB14 participates in melatonin-induced proanthocyanidin biosynthesis by upregulating expression of *VvMYBPA1* and *VvMYBPA2* in grape seeds
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac274
微信导读：Hortic Res | 山东农业大学姚玉新教授团队在褪黑素调控葡萄种子原花青素合成方面取得新进展

MaDREB1F confers cold and drought stress resistance through common regulating hormones synthesis and protectant metabolite contents in banana
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac275
通过调节激素合成和保护性代谢物含量增强香蕉抗冷和抗干旱机制

Functional characterization and key residues engineering of a regio-promiscuity *O*-methyltransferases involved in benzylisoquinoline alkaloid biosynthesis in *Nelumbo nucifera*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac276
微信导读：Hortic Res | 莲苄基异喹啉生物碱生物合成路径中一个具有催化混杂性的 O-甲基转移酶的功能鉴定及关键残基工程研究

Identification of birch lncRNAs and mRNAs responding to salt stress and characterization of functions of lncRNA
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac277
微信导读：Hortic Res | 东北林业大学王玉成教授团队在白桦响应盐胁迫 lncRNA 鉴定研究方面取得新进展

Variations of stomata development in tea plant (*Camellia sinensis*) leaves in different light and temperature environments and genetic backgrounds
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac278
不同光温环境和遗传背景下茶树叶片气孔发育的变化

Deeply functional identification of *TCS1* alleles provides efficient technical paths for low-caffeine breeding of tea plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac279
微信导读：Hortic Res | *TCS1* 等位基因的深度功能鉴定为茶树低咖啡因育种提供了有效的技术途径

Engineered Cleistogamy in *Camelina sativa* for Bioconfinement
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac280
微信导读：Hortic Res | 在亚麻荠中过表达 PpJAZ1 有效抑制亚麻荠花粉介导的基因漂移（PMGF）

An improved assembly of the “Cascade” hop (*Humulus lupulus*) genome uncovers signatures of molecular evolution and refines time of divergence estimates for the Cannabaceae family
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac281
蛇麻基因组揭示了分子进化的特征，改进了大麻科的分歧时间估算

SlMYB1 regulates the accumulation of lycopene, fruit shape, and resistance to *Botrytis cinerea* in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac282
微信导读：Hortic Res | 山东农业大学丁新华团队发现 SlMYB1 调节番茄红素的积累、果实形状和番茄对灰霉菌的抗性

Genome-wide analysis of cytochrome P450 genes in *Citrus clementina* and characterization of a CYP gene encoding flavonoid 3'-hydroxylase

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac283

微信导读：Hortic Res | 浙江大学果实品质生物学团队系统分析柑橘 CYP 超基因家族并揭示 CYP75B81 类黄酮 3'羟基化功能

H_2S mediated balance regulation of stomatal and non-stomatal factors responding to drought stress in Chinese cabbage

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac284

微信导读：Hortic Res | 山西大学金竹萍教授研究组揭示了硫化氢信号对大白菜气孔和非气孔因子响应干旱胁迫的平衡调控作用

Soil and fine root-associated microbial communities are niche dependent and influenced by copper fungicide treatment during tea plant cultivation

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac285

茶树栽培过程中土壤和细根相关微生物群落具有生态位依赖性并受到铜杀菌剂处理的影响

SlMYB72 affects pollen development by regulating autophagy in tomato

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac286

微信导读：Hortic Res | 重庆大学邓伟团队发现 SlMYB72 通过调控细胞自噬影响番茄花粉发育过程

Understanding water conservation vs. profligation traits in vegetable legumes through a physio-transcriptomic-functional approach

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac287

微信导读：Hortic Res | 中国计量大学徐沛组利用生理表型组联合功能分析手段阐释豆类蔬菜水分利用差异机理

RAfilter: An Algorithm for Detecting and Filtering False-positive Alignments in Repetitive Genomic Regions

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac288

微信导读：Hortic Res | RAfilter：一种基因组重复区域中假阳性比对的检测和过滤算法

The high-quality *Pinellia pedatisecta* genome reveals a key role of tandem duplication in the expansion of its agglutinin genes

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac289

掌叶半夏基因组揭示了串联复制在其凝集素基因扩张中的关键作用

Citrus β-carotene hydroxylase 2 (BCH2) participates in xanthophyll synthesis by catalyzing the hydroxylation of β-carotene and compensates for BCH1 in citrus carotenoid metabolism

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac290

微信导读：Hortic Res | 华中农业大学邓秀新院士团队揭示 CsBCH2 在柑橘果实类胡萝卜素合成代谢中的重要作用

RcbHLH59-RcPRs module enhances salinity stress tolerance by balancing Na^+/K^+ through callose deposition in rose (*Rosa chinensis*)

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac291

微信导读：Hortic Res | 青岛农业大学揭示新的月季转录因子 RcbHLH59 提高盐胁迫适应的分子机制

The root meristem growth factor *BrRGF6* positively regulates Chinese cabbage to infection of clubroot disease caused by *Plasmodiophora Brassicae*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhac292
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学揭示根分生组织生长因子 *BrRGF6* 调控大白菜响应根肿菌侵染的机制

The class B Heat Shock Factor HSFB1 regulates heat tolerance in grapevine
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad001
微信导读：Hortic Res | 中国科学院植物研究所在葡萄耐热基因挖掘上取得进展

High-quality haplotype-resolved genome assembly of cultivated octoploid strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad002
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学草莓科研团队组装出八倍体栽培草莓高质量单倍型基因组

Effect of the biosynthesis of the volatile compound phenylacetaldehyde on chloroplast modifications in tea (*Camellia sinensis*) plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad003
微信导读：Hortic Res | 中国科学院华南植物园杨子银研究员团队在茶树挥发性代谢物苯乙醛的生理功能研究方面取得进展

Jasmonic acid regulates the biosynthesis of medicinal metabolites via the JAZ9-MYB76 complex in *Salvia miltiorrhiza*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad004
微信导读：Hortic Res | 浙江中医药大学开国银教授团队等揭示 JAZ9-MYB76 复合物介导茉莉酸调控丹参药效物质生物合成的新机制

Gap-free genome assembly and comparative analysis reveal the evolution and anthocyanin accumulation mechanism of *Rhodomyrtus tomentosa*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad005
微信导读：Hortic Res | Gap-free 基因组与比较分析揭示桃金娘进化与花青素积累机制

QTL analysis for ascorbic acid content in strawberry fruit reveals a complex genetic architecture and association with GDP-L-galactose phosphorylase
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad006
草莓果实抗坏血酸含量的 QTL 分析揭示了复杂的遗传结构及其与 GDP-L-半乳糖磷酸化酶的相关性

CsTRM5 regulates fruit shape via mediating cell division direction and cell expansion in cucumber
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad007
微信导读：Hortic Res | 中国农大张小兰教授团队发现 *CsTRM5* 通过介导黄瓜细胞分裂方向和细胞扩增调节果实形状

The role of DNA methylation in the maintenance of phenotypic variation induced by grafting chimerism in *Brassica*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad008
微信导读：Hortic Res | 浙江大学陈利萍教授团队揭示 DNA 甲基化在嫁接诱导变异维持中的新机制

A 21-bp InDel in the promoter of *STP1* selected during tomato improvement accounts for soluble solid content in fruits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad009
微信导读：华中农业大学与石河子大学鉴定番茄果实可溶性固形物关键基因 *STP1* 及其自然变异

The transcription factor IbNAC29 positively regulates the carotenoid accumulation in sweet potato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad010
转录因子 IbNAC29 正调控甘薯类胡萝卜素的积累

CRISPR/Cas9 editing of the polygalacturonase *FaPG1* gene improves strawberry fruit firmness
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad011
CRISPR/Cas9 编辑多聚半乳糖醛酸酶 *FaPG1* 基因以提高草莓果实硬度

Interaction of methionine sulfoxide reductase B5 with SlMYC2 stimulates the transcription of MeJA-mediated autophagy-related genes in tomato fruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad012
微信导读：Hortic Res | 山东理工大学张新华教授团队揭示 SlMsrB5 参与调控 MeJA-SlMYC2 介导番茄果实自噬活性的机制

RsERF40 contributes to cold stress tolerance and cell expansion of taproot in radish (*Raphanus sativus* L.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad013
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学柳李旺教授团队在萝卜肉质根响应低温胁迫的遗传调控机理解析方面取得新进展

A D-cysteine desulfhydrase, SlDCD2, participates in tomato fruit ripening by modulating ROS homoeostasis and ethylene biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad014
微信导读：Hortic Res | 合肥工业大学张华/胡康棣课题组揭示 D -半胱氨酸脱巯基酶 SlDCD2 通过调节活性氧平衡和乙烯生物合成参与番茄果实成熟进程

Pan-genome and transcriptome analyses provide insights into genomic variation and differential gene expression profiles related to disease resistance and fatty acid biosynthesis in eastern black walnut (*Juglans nigra*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad015
微信导读：Hortic Res | 西北大学联合西北农林科技大学在黑胡桃基因组学和抗病及油脂代谢基因方面取得新进展

Strategies for fast breeding and improvement of *Actinidia* species
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad016
猕猴桃快速繁殖与改良策略

Development of homozygous tetraploid potato and whole genome doubling-induced the enrichment of H3K27ac and potentially enhanced resistance to cold-induced sweetening in tubers
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad017
微信导读：纯合子四倍体马铃薯的发育和全基因组加倍诱导了 H3K27ac 的富集，并可能增强块茎对冷诱导甜味的抗性

Characteristics of photosynthesis and vertical canopy architecture of citrus trees under two labor-saving cultivation modes using UAV-based LiDAR data in citrus orchards
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad018
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学周靖靖课题组利用遥感手段评价柑橘省力化栽培模式方面取得新进展

CRISPR/Cas9-mediated SNAC9 mutants reveal the positive regulation of tomato ripening by SNAC9 and the mechanism of carotenoid metabolism regulation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad019
微信导读：天津大学寇晓虹教授团队在番茄类胡萝卜素代谢调控机制方面取得新进展

A gap-free and haplotype-resolved lemon genome provides insights into flavor synthesis and Huanglongbing (HLB) tolerance
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad020
柠檬基因组为风味合成和黄龙病耐受性提供了见解

Multiple-model GWAS identifies optimal allelic combinations of quantitative trait loci for malic acid in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad021
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学番茄团队揭示番茄中苹果酸积累的遗传基础

A petunia transcription factor, *PhOBF1*, regulates flower senescence by modulating gibberellin biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad022
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学揭示 *PhOBF1* 调节矮牵牛花衰老过程的作用机理

Protease inhibitor ASP enhances freezing tolerance by inhibiting protein degradation in kumquat
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad023
微信导读：Hortic Res | 湖南农业大学解析蛋白酶抑制剂 ASP 抑制蛋白质降解增强金柑抗冻性的分子机制

Generating colorful carrot germplasm through metabolic engineering of betalains pigments
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad024
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学熊爱生教授团队通过代谢工程创制彩色胡萝卜新种质

SlZF3 regulates tomato plant height by directly repressing *SlGA20ox4* in gibberellic acid biosynthesis pathway
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad025
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学番茄团队揭示锌指蛋白 SlZF3 负调控番茄株高的分子机理

Feeding the world: impacts of elevated [CO_2] on nutrient content of greenhouse grown fruit crops and options for future yield gains
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad026
CO_2 含量升高对水果营养成分和产量的影响

The telomere-to-telomere genome of *Fragaria vesca* reveals the genomic evolution of *Fragaria* and the origin of cultivated octoploid strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad027
微信导读：草莓的端粒-端粒基因组揭示了草莓的基因组进化和栽培八倍体草莓的起源

Tea plant (*Camellia sinensis*) lipid metabolism pathway modulated by tea field microbe (*Colletotrichum amelliae*) to promote disease
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad028
微信导读：Hortic Res | 吉林大学揭示山茶刺盘孢 CP 蛋白调控寄主感病机理

Enhancing health-promoting isothiocyanates in Chinese kale sprouts via manipulating *BoESP*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad029
微信导读：Hortic Res | 浙江大学汪俏梅教授团队通过操纵芥子油苷降解改善芥蓝芽菜品质

The RING-H2 gene *LdXERICO* plays a negative role in dormancy release regulated by low temperature in *Lilium davidii* var. *unicolor*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad030
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学孙红梅教授团队揭示 RING-H2 型 E3 连接酶基因 *LdXERICO* 在百合休眠调控中的关键作用

The genomic and epigenetic footprint of local adaptation to variable climates in kiwifruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad031
微信导读：Hortic Res | 中国科学院武汉植物园在猕猴桃局部适应性的进化机制研究方面取得进展

Genetic Architecture of Leaf Morphology Revealed by Integrated Trait Module in *Catalpa bungei*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad032
微信导读：Hortic Res | 中国林科院王军辉团队基于模块化遗传定位策略揭示楸树叶片表型遗传机制

Dual functions of *PsmiR172b-PsTOE3* module in dormancy release and flowering in tree peony (*Paeonia suffruticosa*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad033
微信导读：Hortic Res | 青岛农业大学盖树鹏教授课题组解析 *PsmiR172* 与靶基因 *PsTOE3* 调控牡丹芽休眠解除和开花的双重功能

Large-scale population structure and genetic architecture of agronomic traits of garlic
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad034
微信导读：Hortic Res | 中国农科院蔬菜花卉所王海平研究团队揭示大蒜种质资源群体结构及重要性状遗传基础

Potato tonoplast sugar transporter 1 controls tuber sugar accumulation during postharvest cold storage
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad035
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学马铃薯团队在马铃薯低温糖化机制方面取得新进展

Microscopic and metabolic investigations disclose the factors that lead to skin cracking in chili-type pepper fruit varieties
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad036
通过显微镜观察和代谢研究揭示了导致辣椒表皮开裂的因素

Novel flavin-containing monooxygenase protein FMO1 interacts with CAT2 to negatively regulate drought tolerance through ROS homeostasis and ABA signaling pathway in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad037
微信导读：Hortic Res | 西南大学李金华教授团队揭示一个新的黄素单加氧酶基因 FMO1 负向调控番茄抗旱性的分子机制

Identification of Clade-wide Putative *Cis*-regulatory Elements from Conserved Non-coding Sequences in Cucurbitaceae Genomes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad038
微信导读：Hortic Res | 北京师范大学庞尔丽教授组在植物基因组中顺式调控元件的预测识别上取得新进展

High-throughput analysis of anthocyanins in horticultural crops using probe electrospray ionization tandem mass spectrometry (PESI/MS/MS)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad039
利用微探针电喷雾串联质谱法（PESI/MS/MS）高通量分析园艺作物中的花青素含量

The high-quality genome of lotus reveals tandem duplicate genes involved in stress response and secondary metabolites biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad040
荷花高质量基因组揭示了参与胁迫反应和次生代谢产物生物合成的串联重复基因

Geographic-genomic and geographic-phenotypic differentiation of the *Aquilegia viridiflora* complex
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad041
微信导读：Hortic Res | 东北师范大学肖洪兴研究团队在耧斗菜复合体物种分化机制研究方面取得进展

The proposed role of MSL-lncRNAs in causing sex lability of female poplars
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad042
微信导读：Hortic Res | 南京林业大学林木遗传育种实验室尹佟明教授团队提出 MSL-lncRNAs 影响杨树雌性性别不稳定的作用模型

AGO2a but not AGO2b mediates antiviral defense against the infection of wildtype Cucumber mosaic virus in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad043
微信导读：Hortic Res | 福建农林大学郭忠新研究团队揭示 AGO2a 介导番茄对野生型黄瓜花叶病毒感染的抗病毒防御

PsRGL1 negatively regulates chilling- and gibberellin-induced dormancy release by PsF-box1-mediated targeting for proteolytic degradation in tree peony
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad044
微信导读：Hortic Res | 青岛农业大学盖树鹏教授课题组解析了牡丹 DELLA 成员 PsRGL1 负调控牡丹芽休眠解除的分子机制

Integrated model simulates bigger, sweeter tomatoes under changing climate under reduced nitrogen and water input
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad045
微信导读：Hortic Res | 农业水资源高效利用全国重点实验室作物高效用水研究团队研究表明未来可减少水氮投入获得高产优质番茄

Pepper mild mottle virus coat protein interacts with pepper chloroplast outer envelope membrane protein OMP24 to inhibit antiviral immunity in plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad046
微信导读：Hortic Res | 宁波大学联合多家单位揭示辣椒轻斑驳病毒反防御叶绿体免疫的分子机制

The first chromosome-level *Fallopia multiflora* genome assembly provides insights into stilbene biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad047
微信导读：Hortic Res | 安徽中医药大学联合中国中医科学院中药资源中心合作发表何首乌高质量染色体级别基因组图谱

A molecular phenology scale of grape berry development
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad048
葡萄果实发育的分子物候学

The ABA-induced NAC transcription factor MdNAC1 interacts with a bZIP-type transcription factor to promote anthocyanin synthesis in red-fleshed apples

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad049

微信导读：Hortic Res | ABA 诱导的 NAC 转录因子 MdNAC1 与 bZIP 型转录因子相互作用促进红肉苹果花青素的合成

SlWRKY30 and SlWRKY81 synergistically modulate tomato immunity to *Ralstonia solanacearum* by directly regulating *SlPR-STH2*

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad050

微信导读：延安大学联合多家单位揭示 SlWRKY30 和 SlWRKY81 协同调控番茄抗青枯病的机制

Multifaceted regulatory functions of CsBPC2 in cucumber under salt stress conditions

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad051

在盐胁迫条件下黄瓜 CsBPC2 的多方面调控功能

Discovery and genome-guided mapping of *REN12* from *Vitis amurensis*, conferring strong, rapid resistance to grapevine powdery mildew

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad052

基因组定位揭示 *REN12* 基因能够提高对葡萄白粉病的抗性

CaREM1.4 interacts with CaRIN4 to regulate *Ralstonia solanacearum* tolerance by triggering cell death in pepper

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad053

微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学植物免疫研究团队康振生/张新梅小组揭示 CaREM1.4 调节辣椒对青枯菌抗性的分子机制

GA signaling protein LsRGL1 interacts with the abscisic acid signaling-related gene *LsWRKY70* to affect the bolting of leaf lettuce

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad054

GA 信号蛋白 *LsRGL1* 与 ABA 信号相关基因 *LsWRKY70* 互作调控莴苣的抽薹

Increased artemisinin production by promoting glandular secretory trichome formation and reconstructing artemisinin biosynthetic pathway in *Artemisia annua*

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad055

微信导读：Hortic Res | 多基因组装技术促进青蒿腺毛发育和重建青蒿素生物合成途径提高青蒿素产量

Dissecting the effect of soil on plant phenology and berry transcriptional plasticity in two Italian grapevine varieties (*Vitis vinifera* L.)

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad056

土壤对葡萄植株物候和果实转录可塑性的影响

Haplotype resolved chromosome level genome assembly of *Citrus australis* reveals disease resistance and other citrus specific genes

原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad058

单倍型染色体水平基因组组装揭示了柑橘的抗病性和其他特异基因

The complete reference genome for grapevine (*Vitis vinifera* L.) genetics and breeding
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad061
微信导读：Hortic Res 5 月封面文章 | 中国农科院基因组所周永锋团队联合国内外学者发表首个葡萄完整参考基因组

Chromosome-scale genome assembly of *Prunus pusilliflora* provides novel insights into genome evolution, disease resistance, and dormancy release in *Cerasus* L.
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad062
微信导读：Hortic Res | 上海交大张才喜教授团队联合云南农大董扬教授团队发布滇西边境细花樱桃高质量基因组揭秘高抗病遗传机制

QTL detection and candidate gene analysis of grape white rot resistance by interspecific grape (*Vitis vinifera* L. × *Vitis davidii* Foex.) crossing
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad063
微信导读：Hortic Res | 中国农科院郑州果树研究所葡萄资源与育种团队在野生葡萄抗白腐病研究中取得新进展

A molecular toolkit to boost functional genomic studies in transformation-recalcitrant vegetable legumes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad064
微信导读：中国计量大学徐沛组开发了用于促进难转化豆类蔬菜功能基因组学研究的分子工具包

Population genomics reveals demographic history and selection signatures of hazelnut (*Corylus*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad065
种群基因组学揭示了榛子的种群历史和选择信号

The SmNPR4-SmTGA5 module regulates SA-mediated phenolic acid biosynthesis in *Salvia miltiorrhiza* hairy roots
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad066
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学董娟娥研究团队揭示水杨酸信号调控丹参酚酸合成的分子机制

ALA reverses ABA-induced stomatal closure by modulating PP2AC and SnRK2.6 activity in apple leaves
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad067
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学汪良驹教授团队在 ALA 逆转 ABA 诱导的苹果叶片气孔关闭机制研究上取得新进展

BABA-induced pathogen resistance: a multi-omics analysis of the tomato response reveals a hyper-receptive status involving ethylene
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad068
BABA 诱导的病原体抗性：对番茄响应的多组学分析揭示了涉及乙烯的超感受状态

Chromosome-level genome assembly of *Salvia miltiorrhiza* with orange roots uncovers the role of Sm2OGD3 in catalyzing 15,16-dehydrogenation of tanshinones
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad069
橙根丹参基因组揭示 Sm2OGD3 在催化丹参酮 15,16-脱氢中的作用

Control of ovule development in *Vitis vinifera* by *VvMADS28* and interacting genes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad070
微信导读：西北农林科技大学葡萄团队揭示 *VvMADS28* 及其互作基因对葡萄胚珠发育的重要作用

GrapevineXL reliably predicts multi-annual dynamics of vine water status, berry growth, and sugar accumulation in vineyards
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad071
微信导读：Hortic Res | 中科院植物研究所葡萄与葡萄酒科学研发团队在精准预测葡萄生长与品质年际波动及气候变化响应方面取得新进展

Nicotiana benthamiana XYLEM CYSTEINE PROTEASE genes facilitate tracheary element formation in interfamily grafting
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad072
烟草 *XYLEM CYSTEINE PROTEASE* 基因促进异科嫁接中导管的形成

Two-step model of paleohexaploidy, ancestral genome reshuffling and plasticity of heat shock response in Asteraceae
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad073
微信导读：华北理工大学王金朋团队在菊科植物多倍化及祖先基因组重建和进化方面取得新进展

Raman Spectroscopy in Crop Quality Assessment: Focusing on Sensing Secondary Metabolites: A review
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad074
拉曼光谱在作物品质评价中的应用：聚焦于次生代谢物的检测

Drought stress triggers alterations of adaxial and abaxial stomatal development in basil leaves increasing water-use efficiency
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad075
干旱胁迫触发罗勒叶片上下表皮气孔发育的改变，提高水分利用效率

Skim resequencing finely maps the downy mildew resistance loci *RPF2* and *RPF3* in spinach cultivars Whale and Lazio
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad076
重测序精细定位出菠菜霜霉病抗性基因座 *RPF2* 和 *RPF3*

Low light intensity elongates period and defers peak time of photosynthesis: a computational approach to circadian-clock-controlled photosynthesis in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad077
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学游雄教授和熊爱生教授团队通过数学计算模型解析低光强控制的生物钟推迟番茄光合作用的周期和相位

CRISPR/Cas9-mediated gene editing to confer turnip mosaic virus (TuMV) resistance in Chinese cabbage (*Brassica rapa*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad078
CRISPR/Cas9 介导的基因编辑赋予大白菜对芜菁花叶病毒的抗性

Genomic features of meiotic crossovers in diploid potato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad079
微信导读：中国农科院深圳农业基因组所张春芝课题组在二倍体马铃薯减数分裂重组研究中取得进展

The MYB transcription factor RcMYB1 plays a central role in rose anthocyanin biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad080
微信导读：上海师范大学明凤教授团队发现 RcMYB1 调控月季花青素、类胡萝卜素和花香的生物合成

Creating of watermelon haploid inducer line via *ClDMP3* mediated single fertilization of the central cell
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad081
ClDMP3 介导的中央细胞单受精诱导产生西瓜单倍体

Tomato LysM receptor kinase 4 mediates chitin-elicited fungal resistance in both leaves and fruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad082
微信导读：Hortic Res | 浙江大学梁岩教授团队揭示了几丁质诱导的免疫在果实中介导真菌抗病性

RcSPL1 – RcTAF15b regulates the flowering time of rose (*Rosa chinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad083
微信导读：Hortic Res | 中国农业大学联合中科院微生物研究所揭示 RcSPL1-RcTAF15b 调控月季成花转变的机制

Gibberellin biosynthesis is required for CPPU-induced parthenocarpy in melon
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad084
微信导读：青岛农业大学张忠华/柴森研究团队在 CPPU 诱导甜瓜单性结实机制研究中取得进展

CRISPR/Cas9-based gene activation and base editing in *Populus*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad085
微信导读：Hortic Res | 美国橡树岭国家实验室在杨树基因编辑研究领域取得新进展

LncRNA109897-JrCCR4-JrTLP1b forms a positive feedback loop to regulate walnut resistance against anthracnose caused by *Colletotrichum gloeosporioides*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad086
微信导读：山东农大杨克强/房鸿成课题组揭示 lncRNA-JrCCR4-JrTLP1b 调控核桃对炭疽病的抗性

Ralstonia solanacearum type III effector RipAS associates with potato type one protein phosphatase StTOPP6 to promote bacterial wilt
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad087
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学马铃薯团队发现效应蛋白 RipAS 能够靶标 I 型蛋白磷酸酶促进青枯菌侵染

Genomewide selection for fruit quality traits in apple: breeding insights gained from prediction and postdiction
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad088
苹果果实品质性状的全基因组选择：基于预测和验证获得的育种见解

ABI5 promotes heat stress-induced chlorophyll degradation by modulating the stability of MYB44 in cucumber
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad089
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学设施园艺团队揭示了高温诱导黄瓜叶绿素降解的分子机制

CsXDH1 gene promotes caffeine catabolism induced by continuous strong light in tea plant
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad090
CsXDH1 基因促进连续强光诱导茶树咖啡因的分解代谢

PsERF1B-PsMYB10.1-PsbHLH3 module enhances anthocyanin biosynthesis in the flesh-reddening of amber-fleshed plum (cv. Friar) fruit in response to cold storage
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad091
微信导读：Hortic Res | 中国农业大学曹建康课题组在采后低温贮藏李果肉红变机制研究中取得进展

CIDP: A multi-functional platform for designing CRISPR sgRNAs
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad092
微信导读：Hortic Res | CIDP：适合所有已测序物种的 sgRNA 设计软件

Identification of candidate genes that regulate the trade-off between seedling cold tolerance and fruit quality in melon (*Cucumis melo* L.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad093
微信导读：Hortic Res | 河南农业大学胡建斌教授团队和李营副教授团队在权衡甜瓜苗期耐冷性与果实品质的研究方面取得新进展

The m^6A reader MhYTP2 regulates the stability of its target mRNAs contributing to low nitrogen tolerance in apple (*Malus domestica*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad094
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学马锋旺教授团队揭示 m^6A 阅读蛋白 MhYTP2 调控苹果对低氮胁迫抗性的分子机制

Al-induced CsUGT84J2 enhances flavonol and auxin accumulation to promote root growth in tea plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad095
铝诱导的 CsUGT84J2 增强黄酮醇和生长素的积累，促进茶树根系生长

Manipulation of plant height in garden asparagus (*Asparagus officinalis* L.) through CRISPR/Cas9-mediated *aspSPL14* allele editing
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad096
微信导读：Hortic Res | 南昌大学朱友林教授研究团队在芦笋基因编辑方面取得新进展

Genome of tetraploid sour cherry (*Prunus cerasus* L.) ‘Montmorency’ identifies three distinct ancestral Prunus genomes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad097
四倍体酸樱桃的基因组鉴定出三个不同的祖先李基因组

A multi-omics approach identifies *bHLH71-like* as a positive regulator of yellowing leaf pepper mutants exposed to high-intensity light
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad098
微信导读：Hortic Res | 多组学联合分析揭示 *bHLH71-like* 正调节强光诱导辣椒黄化突变体的叶色黄化

4-Methylumbelliferone (4-MU) enhances drought tolerance of apple by regulating rhizosphere microbial diversity and root architecture
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad099
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学苹果抗逆与品质改良创新团队在苹果矮化砧木的耐旱能力研究方面取得新进展

The combination of DNA methylation and positive regulation of anthocyanin biosynthesis by MYB and bHLH transcription factors contributes to the petal blotch formation in Xibei tree peony
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad100
微信导读：Hortic Res | 中国科学院植物研究所科研人员在西北牡丹花瓣色斑形成的分子调控机制研究中取得重要进展

CmWRKY6-1-CmWRKY15-like transcriptional cascade negatively regulates the resistance to *Fusarium oxysporum* infection in *Chrysanthemum morifolium*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad101
CmWRKY6-1－CmWRKY15 转录级联负调控菊花对尖孢镰刀菌感染的抗性

Phenoloxidases: Catechol oxidase - the temporary employer and laccase - the rising star of vascular plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad102
酚氧化酶：儿茶酚氧化酶-暂时的雇主，漆酶-维管植物的后起之秀

Telomere-to-telomere carrot (*Daucus carota*) genome assembly reveals carotenoid characteristics
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad103
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学联合贵州农科院和淮阴工学院发表首个胡萝卜完整参考基因组并揭示类胡萝卜素积累特性

CG hypermethylation of the *bHLH39* promoter regulates its expression and Fe deficiency responses in tomato roots
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad104
微信导读：Hortic Res | 杭州师范大学陈微微/浙江大学杨建立课题组联合揭示 DNA 甲基化调控番茄缺铁响应的表观遗传机制

Spatiotemporal profiles of gene activity in stamen delineate nucleo-cytoplasmic interaction in a male sterile somatic cybrid citrus
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad105
微信导读：华中农业大学郭文武教授课题组在柑橘胞质杂种雄性不育核质互作调控网络研究取得进展

Integrative lipidomics profile uncovers the mechanisms underlying high-level α-linolenic acid accumulation in *Paeonia rockii* seeds
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad106
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学在牡丹种子高水平α-亚麻酸积累机制方面取得新进展

Omics analyses in citrus reveal a possible role of RNA translation pathways and UPR regulators in the tolerance to combined drought, high irradiance and heat stress
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad107
柑橘的组学分析揭示了 RNA 翻译途径和 UPR 调节因子在柑橘对干旱、高光照和热胁迫耐受性中的作用

Molecular and genetic regulations of fleshy fruit shape and lessons from *Arabidopsis* and rice
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad108
微信导读：Hortic Res | 河北农业大学与美国佐治亚大学联合发表植物果实形状分子与遗传调控综述

Unveiling the spatial distribution and molecular mechanisms of terpenoids biosynthesis in *Salvia miltiorrhiza* and *S. grandifolia* using multi-omics and DESI-MSI
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad109
利用多组学和 DESI-MSI 揭示丹参和广叶萜类化合物生物合成的空间分布和分子机制

Combined genome-wide association studies and expression quantitative trait locus analysis uncovers a genetic regulatory network of floral organ number in a tree peony (*Paeonia suffruticosa* Andrews) breeding population
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad110
微信导读：Hortic Res | 中科院植物研究所芍药科多样性与种质创新研究团队在牡丹花器官数量变异遗传调控网络方面取得重要进展

The gap-free genome of mulberry elucidates the architecture and evolution of polycentric chromosomes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad111
微信导读：Hortic Res | 西南大学何宁佳团队发表首个桑树完整参考基因组

Dopamine alleviates cadmium stress in apple trees by recruiting beneficial microorganisms to enhance the physiological resilience revealed by high-throughput sequencing and soil metabolomics
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad112
微信导读：Hortic Res | 河北农业大学徐继忠/梁博文团队在多巴胺缓解苹果镉胁迫研究中取得进展

Functional characterization of two flavone synthase II members in citrus
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad113
微信导读：Hortic Res | 浙江大学孙崇德教授团队在柑橘类黄酮合成代谢方面取得新进展

Characteristics of *Salvia miltiorrhiza* methylome and the regulatory mechanism of DNA methylation in tanshinone biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad114
丹参甲基化组的特征及其 DNA 甲基化在丹参酮生物合成中的调控机制

FvWRKY50 is an important gene that regulates both vegetative growth and reproductive growth in strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad115
微信导读：Hortic Res | 中国农业大学李冰冰/李倩研究团队揭示 *FvWRKY50* 在草莓营养生长和生殖生长中的重要作用

VqMAPK3/VqMAPK6, VqWRKY33, and *VqNSTS3* constitute a regulatory node in enhancing resistance to powdery mildew in grapevine
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad116
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学在中国野生毛葡萄丹凤-2 新芪合酶基因 VqNSTS3 抗白粉病及其调控机理研究中取得新进展

Multiple-statistical genome-wide association analysis and genomic prediction of fruit aroma and agronomic traits in peaches
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad117
微信导读：Hortic Res | 上海市农业科学院桃全产业链团队在桃果实特征香气遗传控制机理研究中取得进展

UV-B promotes flavonoid biosynthesis in *Ginkgo biloba* by inducing the *GbHY5-GbMYB1-GbFLS* module
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad118
微信导读：Hortic Res | 扬州大学银杏研究团队揭示 UV-B 促进银杏类黄酮合成的分子机制

Role of *BraRGL1* in regulation of *Brassica rapa* bolting and flowering
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad119
微信导读：Hortic Res | 华南农业大学陈日远教授团队在 *BraRGL1* 调控菜心抽薹和开花的分子机理研究中取得进展

The genome of okra (*Abelmoschus esculentus*) provides insights into its genome evolution and high nutrient content
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad120
微信导读：Hortic Res | 河北大学杜会龙团队在锦葵科基因组进化方面取得重要进展

Hormones and carbohydrates synergistically regulate the formation of swollen roots in a Chinese cabbage translocation line
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad121
微信导读：Hortic Res | 河北农业大学蔬菜遗传育种团队在大白菜—甘蓝易位系根膨大形成研究中取得进展

Single-cell transcriptome atlas reveals spatiotemporal developmental trajectories in the basal roots of Moso bamboo (*Phyllostachys edulis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad122
微信导读：Hortic Res | 国际竹藤中心高健团队发表首个竹子高通量单细胞图谱

Phloem unloading in cultivated melon fruits follows an apoplasmic pathway during enlargement and ripening
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad123
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学成金桃/别之龙团队发现栽培甜瓜果实糖分卸载积累新机制

A high-quality *Bougainvillea* genome provides new insights into evolutionary history and pigment biosynthetic pathways in the Caryophyllales
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad124
微信导读：Hortic Res 8 月封面文章 | 基于三角梅基因组分析石竹目的演化历史及苞片颜色形成的表达规律

GWAS identifies candidate genes controlling adventitious rooting in *Populus trichocarpa*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad125
GWAS 鉴定控制毛果杨不定根的候选基因

5mC DNA methylation modification-mediated regulation in tissue functional differentiation and important flavor substance synthesis of tea plant (*Camellia sinensis* L.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad126
微信导读：Hortic Res |中国农业科学院深圳农业基因组所张兴坦研究团队在茶树表观调控研究中取得新进展

quarTeT: a telomere-to-telomere toolkit for gap-free genome assembly and centromeric repeat identification
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad127
quarTeT：用于 T2T 基因组组装和着丝粒重复序列鉴定的工具

Multiomics comparison among populations of three plant sources of Amomi Fructus
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad128
微信导读：Hortic Res | 中山大学和农科院基因组所在砂仁群体多组学研究取得重要进展

Integrated global analysis in spider flowers illuminates features underlying the evolution and maintenance of C_4 photosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad129
微信导读：Hortic Res | 中国农科院油料所华玮团队解析首个双子叶 C_4 光合物种端粒到端粒的基因组并揭示 C_3 向 C_4 光合类型演化的历程

An ethylene-induced NAC transcription factor acts as a multiple abiotic stress responsor in conifer
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad130
微信导读：Hortic Res | 北京林业大学钮世辉课题组在针叶树多重胁迫响应整合机制方面取得新进展

DNA methylation mediated by RdDM pathway and demethylation affects furanone accumulation through regulation of *QUINONE OXIDOREDUCTASE* in strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad131
微信导读：Hortic Res | 浙江大学陈昆松教授团队在草莓果实特征芳香组分呋喃酮代谢调控研究上取得进展

Variation in floral form of CRISPR knock-outs of the poplar homologs of *LEAFY* and *AGAMOUS* after FT heat-induced early flowering
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad132
FT 热诱导早花后 CRISPR 敲除杨树同源物 *LEAFY* 和 *AGAMOUS* 的花型变化

Map-based cloning and CRISPR/Cas9-based editing uncover *BoNA1* as the causal gene for the no-anthocyanin-accumulation phenotype in curly kale *(Brassica oleracea* var. *sabellica*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad133
基于图位克隆和 CRISPR/Cas9 编辑揭示 *BoNA1* 是卷叶甘蓝无花青素积累表型的致病基因

PnMYB4 negatively modulates saponin biosynthesis in *Panax notoginseng* through interplay with PnMYB1
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad134
微信导读：Hortic Res | Pn MYB4 通过与 Pn MYB1 互作负调控三七皂苷生物合成

Functional diversity of subgroup 5 R2R3-MYBs promoting proanthocyanidin biosynthesis and their key residues and motifs in tea plant
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad135
微信导读：Hortic Res | 安徽农业大学夏涛课题组解析了调控茶树原花青素合成相关的 R2R3-MYB 第五亚组家族成员功能的多样性

Genetic diversity, population structure, and genome-wide association analysis of ginkgo cultivars
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad136
微信导读：Hortic Res | 中国银杏主栽品种的群体结构及重要性状的全基因组关联研究取得进展

Chilling stress drives organ-specific transcriptional cascades and dampens diurnal oscillation in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad137
低温胁迫驱动番茄器官特异性转录级联反应并抑制昼夜振荡

CsBZIP40 confers resistance against citrus bacterial canker by repressing CsWRKY43-CsPrx53/CsSOD13 cascade mediated ROS scavenging CsBZIP40
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad138
通过抑制 CsWRKY43-CsPrx53/CsSOD13 级联介导的 ROS 清除以增强柑橘对溃疡病的抗性

Genome assembly of *Polygala tenuifolia* provides insights into its karyotype evolution and triterpenoid saponin biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad139
微信导读：Hortic Res | 成都中医药大学成功解析远志基因组并详细描述其多倍化历史中的核型进化过程

A pear S1-bZIP transcription factor PpbZIP44 modulates carbohydrate metabolism, amino acid, and flavonoid accumulation in fruits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad140
微信导读：Hortic Res | 江苏省农科院果树所梨创新团队在极早熟砂梨果实品质与代谢调控网络研究中取得突破性进展

Evaluation of three sets of advanced backcrosses of eggplant with wild relatives from different gene pools under low N fertilization conditions
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad141
低氮条件下茄子与不同基因库野生亲缘关系的高代回交评价

Genomic basis of selective breeding from the closest wild relative of large-fruited tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad142
微信导读：Hortic Res | 中国农业大学林涛团队在番茄驯化方面取得重要进展

Volatile compound-mediated plant-plant interactions under stress with the tea plant as a model
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad143
微信导读：Hortic Res | 安徽农业大学宋传奎教授团队综述：挥发物介导的植物间相互交流—以茶树为例

Insights into the molecular mechanisms underlying responses of apple trees to abiotic stresses
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad144
苹果树对非生物胁迫反应的分子机制初探

Advances in understanding epigenetic regulation of plant trichome development: a comprehensive review
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad145
微信导读：中国农业大学任华中/刘兴旺课题组发表表观遗传调控植物表皮毛发育的最新研究综述

Genome assembly and resequencing analyses provide new insights into the evolution, domestication and ornamental traits of crape myrtle
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad146
微信导读：Hortic Res | 北京林业大学张启翔团队在紫薇基因组组装和群体重测序研究方面取得新进展

Comprehensive regulatory networks for tomato organ development based on the genome and RNAome of MicroTom tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad147
微信导读：Hortic Res | 番茄模式品种 MicroTom 的多组学测序解析其基因调控网络构建

Jujube witches' broom phytoplasmas inhibit ZjBRC1-mediated abscisic acid metabolism to induce shoot proliferation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad148
微信导读：Hortic Res | 安徽农大园艺学院孙俊团队和安徽省农业科学院园艺研究所孙其宝团队揭示植原体操纵脱落酸代谢诱导枣疯病新机制

Combined QTL mapping, GWAS and transcriptomic analysis revealed a candidate gene associated with the timing of spring bud flush in tea plant (*Camellia sinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad149
微信导读：Hortic Res | 中国农业科学院茶叶研究所茶树种质资源创新团队在茶树春季萌芽期遗传机制研究中取得新进展

Cannabis sativa: origin and history, glandular trichome development, and cannabinoid biosynthesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad150
微信导读：Hortic Res 9 月封面文章 ｜ 东北林业大学综述大麻的历史起源、腺毛发育和大麻素生物合成

Basic leucine zipper gene *VvbZIP61* is expressed at a quantitative trait locus for high monoterpene content in grape berries
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad151
碱性亮氨酸拉链基因 *VvbZIP61* 在葡萄浆果中高单萜含量的数量性状位点表达

Histology, physiology, and transcriptomic and metabolomic profiling reveal the developmental dynamics of annual shoots in tree peonies (*Paeonia suffruticosa* Andr.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad152
微信导读：Hortic Res｜中国科学院植物研究所芍药科多样性与种质创新研究团队在牡丹当年生枝的发育方面取得重要进展

Telomere-to-telomere haplotype-resolved reference genome reveals subgenome divergence and disease resistance in triploid Cavendish banana
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad153
微信导读：Hortic Res｜首个三倍体栽培香蕉 T2T 参考基因组发布

Identification and profile of phenolamides with anthracnose resistance potential in tea (*Camellia sinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad154
茶中抗炭疽病的酚酰胺类化合物的鉴定和表达谱分析

Developing a highly efficient CGBE base editor in watermelon
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad155
微信导读：Hortic Res｜西北农林科技大学袁黎团队在西瓜单碱基编辑育种技术研发方面取得新进展

Warmer temperature during asexual reproduction induce methylome, transcriptomic and lasting phenotypic changes in *Fragaria vesca* ecotypes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad156
在无性繁殖过程中，较高的温度会导致草莓生态型的甲基组、转录组和持久表型变化

CmoNAC1 in pumpkin rootstocks improves salt tolerance of grafted cucumbers by binding to the promoters of *CmoRBOHD1, CmoNCED6, CmoAKT1;2* and *CmoHKT1;1* to regulate H_2O_2, ABA signaling and K^+/Na^+ homeostasis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad157
微信导读：Hortic Res｜华中农业大学别之龙团队在嫁接黄瓜耐盐性研究中取得新进展

PpARF6 acts as an integrator of auxin and ethylene signaling to promote fruit ripening in peach
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad158
微信导读：Hortic Res｜中科院武汉植物园韩月彭团队揭示生长素促进桃果实成熟的分子机理

An endolysin gene from *Candidatus* Liberibacter asiaticus confers dual resistance to huanglongbing and citrus canker
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad159
微信导读：Hortic Res｜西南大学/中国农业科学院柑桔研究所邹修平与赵晓春研究团队发现一个抗黄龙病和溃疡病的细菌自杀基因

Grapevine plantlets respond to different monochromatic lights by tuning photosynthesis and carbon allocation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad160
葡萄植株通过调节光合作用和碳分配来对不同的单色光做出反应

Chromosome-scale genome sequence of *Suaeda glauca* sheds light on salt stress tolerance in halophytes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad161
微信导读：Hortic Res | 福建农林大学碱蓬基因组解析工作揭示“DNA/染色质稳定性维持”耐盐新机制

The transcription factor CsS40 negatively regulates *TCS1* expression and caffeine biosynthesis in connection to leaf senescence in *Camellia sinensis*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad162
微信导读：Hortic Res | 贵州大学茶学院吕立堂课题组揭示 CsS40 转录因子调控茶树咖啡碱积累的分子机制

An effector of *Erysiphe necator* translocates to chloroplasts and plasma membrane to suppress host immunity in grapevine
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad163
微信导读：Hortic Res | 西北农林科技大学文颖强课题组揭示了葡萄白粉菌调控寄主免疫新机制

Promoter variations in DBR2-like affect artemisinin production in different chemotypes of *Artemisia annua*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad164
微信导读：Hortic Res- | 中国中医科学院青蒿素研究中心资源研究室等团队揭示 DBR2-Like 启动子变异对青蒿中青蒿素产量的影响

Benchmarking gene set of gymnosperms for assessing genome and annotation completeness in BUSCO
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad165
微信导读：Hortic Res | 浙江大学赵云鹏团队发表 BUSCO 裸子植物单拷贝同源基因集

The parallel biosynthesis routes of hyperoside from naringenin in *Hypericum monogynum*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad166
金丝桃柚皮素中金丝桃苷的平行生物合成途径

Multifaceted roles of LhWRKY44 in promoting anthocyanin accumulation in Asiatic hybrid lilies (*Lilium* spp.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad167
微信导读：Hortic Res | 中国农业科学院蔬菜花卉研究所明军研究员团队揭示 LhWRKY44 调控亚洲百合花青素的生物合成机制

Efficient large fragment deletion in plants : double pairs of sgRNAs is better than dual sgRNAs
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad168
植物中高效的大片段删除:两对 sgRNA 比双重 sgRNA 更好

Uncovering genetic and metabolite markers associated with resistance against anthracnose fruit rot in northern highbush blueberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad169
蓝莓炭疽病抗性相关的遗传和代谢标记鉴定

DNA cytosine methylation dynamics and functional roles in horticultural crops
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad170
微信导读：Hortic Res | 安徽农业大学牛庆丰组和南方科技大学郎墨博共同发表 DNA 甲基化在园艺作物上的功能及研究进展论文

A gap-free reference genome reveals structural variations associated with flowering time in rapeseed (*Brassica napus*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad171
Gap-free 基因组揭示油菜与开花时间相关的结构变化

VvWRKY5 enhances white rot resistance in grape by promoting the jasmonic acid pathway
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad172
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学郭印山团队揭示了转录因子 VvWRKY5 通过茉莉酸途径增强葡萄白腐病抗性的分子机制

Transcriptomic and genetic approaches reveal that low-light-induced disease susceptibility is related with cellular oxidative stress in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad173
转录组学和遗传学鉴定低光诱导的番茄病害易感性与细胞氧化应激有关

Role of methylation in vernalization and photoperiod pathway: a potential flowering regulator?
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad174
微信导读：Hortic Res | 甘肃农业大学廖伟彪团队综述甲基化在春化和光周期途径中的作用：潜在的开花调节器？

Pineapple SWEET10 is a glucose transporter
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad175
微信导读：福建农林大学揭示了菠萝糖转运蛋白 AcSWEET10 转运葡萄糖的分子机制

VvBBX44 and VvMYBA1 form a regulatory feedback loop to balance anthocyanin biosynthesis in grape
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad176
VvBBX44 和 VvMYBA1 形成调节反馈回路以平衡葡萄花青素的生物合成

MaMADS1-MaNAC083 transcriptional regulatory cascade regulates ethylene biosynthesis during banana fruit ripening
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad177
微信导读：Hortic Res | 华南农业大学采后生物学团队在香蕉果实成熟调控领域取得新进展

A constitutive serine protease inhibitor suppresses herbivore performance in tea (*Camellia sinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad178
微信导读：Hortic Res | 中国农业科学院茶叶研究所茶树遗传育种创新团队揭示蛋白酶抑制剂提高茶树抗虫性的分子机制

The high-resolution three-dimensional (3D) chromatin map of the tea plant (*Camellia sinensis*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad179
微信导读：Hortic Res | 中国农业科学院深圳农业基因组所张兴坦研究团队在茶树三维基因组研究中取得新进展

Genome assembly of the snow lotus species *Saussurea involucrata* provides insights into acacetin and rutin biosynthesis and tolerance to an alpine environment
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad180
雪莲基因组组装提供了对雪莲杨梅素和芦丁生物合成及对高山环境耐受性的深入了解

RNA-sequencing analysis reveals novel genes involved in the different peel color formation in eggplant
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad181
微信导读：Hortic Res | 山东农业大学杨凤娟团队揭示了茄子不同果皮颜色形成的分子机制

The haplotype-resolved T2T reference genome highlights structural variation underlying agronomic traits of melon
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad182
微信导读：中国农科院郑州果树研究所联合中国农业大学组装首个野生型甜瓜 T2T 基因组

A telomere-to-telomere reference genome provides genetic insight into the pentacyclic triterpenoid biosynthesis in *Chaenomeles speciosa*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad183
T2T 基因组为皱皮木瓜的五环三萜生物合成提供遗传学见解

A geraniol synthase regulates plant defense via alternative splicing in tea plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad184
微信导读：Hortic Res | 安徽农业大学宋传奎团队发现香叶醇合成酶参与茶树抗病的新机制

AcbHLH144 transcription factor negatively regulates phenolic biosynthesis to modulate pineapple internal browning
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad185
AcbHLH144 转录因子负调控酚类生物合成以调节菠萝内部褐变

Spatiotemporal miRNA and transcriptomic network dynamically regulate the developmental and senescence processes of poplar leaves
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad186
微信导读：Hortic Res | 北京林业大学康向阳教授团队在杨树叶片发育基因表达及调控方面取得新进展

The high-quality sequencing of the Brassica rapa 'XiangQingCai' genome and exploration of genome evolution and genes related to volatile aroma
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad187
微信导读：Hortic Res | 苏州市农业科学院联合华北理工大学解析特色白菜品种'香青菜'基因组及香味关键基因挖掘

PbrChiA: a key chitinase of pear in response to *Botryosphaeria dothidea* infection by interacting with PbrLYK1b2 and down-regulating ROS accumulation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad188
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学张绍铃团队揭示了几丁质酶 PbrChiA 通过减弱 ROS 积累增强梨轮纹病抗性的分子机制

Telomere-to-telomere genome assembly of melon (*Cucumis melo* L. var. *inodorous*) provides a high-quality reference for meta-QTL analysis of important traits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad189
甜瓜的 T2T 基因组为重要性状的 meta QTL 分析提供了高质量的参考

CsTT8 regulating anthocyanin accumulation in blood orange through alternative splicing transcription
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad190
微信导读：Hortic Res | 成都大学王建辉团队在血橙花青苷调控与应用领域取得了新进展

Genome-wide association mapping in a sweet cherry germplasm collection (*Prunus avium* L.) reveals candidate genes for fruit quality traits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad191
全基因组关联图谱揭示甜樱桃果实品质性状的候选基因

Designing of future ornamental crops: A biotechnological driven perspective
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad192
未来观赏作物的设计：生物技术驱动的视角

Almond population genomics and non-additive GWAS reveal new insights into almond dissemination history and candidate genes for nut traits and blooming time
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad193
群体基因组学和 GWAS 揭示对杏仁传播史和坚果性状及开花时间候选基因的新见解

PoWRKY71 is involved in *Paeonia ostii* resistance to drought stress by directly regulating light-harvesting chlorophyll a/b-binding 151 gene
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad194
凤丹 PoWRKY71 通过直接调控叶绿素 a/b 结合 151 基因抵御干旱胁迫

OmicsSuite: a customized and pipelined suite for analysis and visualization of multi-omics big data
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad195
微信导读：Hortic Res | 厦门大学游伟伟团队开发定制流程化的多组学大数据分析与可视化套件 OmicsSuite

A chromosome-level genome assembly provides insights into *Cornus wilsoniana* evolution, oil biosynthesis and floral bud development
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad196
微信导读：Hortic Res | 南京大学何祯祥教授团队合作发表光皮梾木染色体水平参考基因组

Whole-genome and genome-wide association study improve key agricultural traits of safflower for industrial and medicinal use
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad197
微信导读：Hortic Res | 成都中医药大学联合多家单位在红花基因组及重要性状的关联分析上取得进展

MdAIL5 overexpression promotes apple adventitious shoot regeneration by regulating hormone signaling and activating the expression of shoot development-related genes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad198
微信导读：Hortic Res | 中国农业科学院果树研究所揭示转录因子 MdAIL5 促进苹果不定芽再生的分子机制

Transcription factor CsTT8 promotes fruit coloration by positively regulating methylerythritol 4-phosphate pathway and carotenoid biosynthesis pathway in citrus (*Citrus* spp.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad199
微信导读：Hortic Res | 华中农业大学邓秀新院士团队阐明 CsTT8 调控柑橘类胡萝卜素积累的分子机制

Blueberry and cranberry pangenomes as a resource for future genetic studies and breeding efforts
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad202
蓝莓和蔓越莓泛基因组作为未来遗传研究和育种工作的资源

Telomere-to-telomere assembly of cassava genome reveals the evolution of cassava and divergence of allelic expression
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad200
微信导读：Hortic Res | 广西大学陈玲玲教授团队与广西农科院严华兵团队联合发表首个木薯 T2T 基因组

Telomere-to-telomere pear (*Pyrus pyrifolia*) reference genome reveals segmental and whole genome duplication driving genome evolution
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad201
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学完成梨首个 T2T 基因组组装和解析

Pangenome of water caltrop reveals structural variations and asymmetric subgenome divergence after allopolyploidization
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad203
微信导读：Hortic Res | 中国科学院武汉植物园邱英雄团队在孤儿作物-菱属的泛基因组和结构变异研究中取得新进展

Unveiling plant defense arsenal: Metabolic strategies in *Brassica oleracea* during black rot disease
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad204
揭开植物防御武器库的面纱：甘蓝在黑腐病期间的代谢策略

The haplotype-resolved T2T genome of teinturier cultivar Yan73 reveals the genetic basis of anthocyanin biosynthesis in grapes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad205
Teinturier 品种 Yan73 的单倍型解析 T2T 基因组揭示了葡萄花青素生物合成的遗传基础

Genome-wide association analysis identified molecular markers and candidate genes for flower traits in Chinese orchid (*Cymbidium Sinense*)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad206
全基因组关联分析确定了中国兰花与花性状相关的分子标记和候选基因

Cannabinoids function in defense against chewing herbivores in *Cannabis sativa* L.
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad207
大麻素在大麻防御咀嚼性食草动物中发挥重要作用

Genome resequencing reveals the evolutionary history of garlic reproduction traits
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad208
微信导读：Hortic Res | 扬州大学刘头明/中蔬所王海平等国内外团队联合揭示大蒜有性繁殖性状退化的基因组基础

The Telomere-to-telomere gap-free reference genome of wild blueberry (*Vaccinium duclouxii*) provides its high soluble sugar and anthocyanin accumulation
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad209
微信导读：Hortic Res | 野生蓝莓(*Vaccinium duclouxii*)的 T2T 基因组提供了其高可溶性糖和花青素积累

Genome sequencing revealed the red-flower trait candidate gene of a peach landrace
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad210
微信导读：Hortic Res | 基因组测序发现桃红花性状决定候选基因

SMRT-AgRenSeq-d in potato (*Solanum tuberosum*) as a method to identify candidates for the nematode resistance Gpa5
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad211
马铃薯中 SMRT - Ag Ren Seq - d 作为鉴定抗线虫候选基因 Gpa5 的方法

Integrating genome-wide association and transcriptome analysis to provide molecular insights into heterophylly and eco-adaptability in woody plants
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad212
微信导读：Hortic Res | 中国科学院植物研究所阐释调控构树异形叶性建成的分子机制

Red light induces salicylic acid accumulation by activating CaHY5 to enhance pepper resistance against *Phytophthora capsica*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad213
红光通过激活 CaHY5 诱导了水杨酸累积增强了辣椒对辣椒疫病的抗性

The haplotype-resolved autotetraploid genome assembly provides insights into the genomic evolution and fruit divergence in wax apple (*Syzygium samarangense* (Blume) Merr. and Perry)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad214
微信导读：Hortic Res | 福建省农业科学院果树研究所联合中国农业科学院深圳农业基因组所发表莲雾高质量基因组

Genomic evidence for evolutionary history and local adaptation of two endemic apricots: *Prunus hongpingensis* and *P. zhengheensis*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad215
微信导读：Hortic Res | 华中农大解析两种南方特有杏基因组并揭示其进化历史过程

Cucumber malate decarboxylase, CsNADP-ME2, functions in the balance of carbon and amino acid metabolism in fruit
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad216
微信导读：Hortic Res | 中国农业大学眭晓蕾课题组揭示苹果酸脱羧酶 CsNADP-ME2 介导黄瓜果实碳和氨基酸代谢平衡的作用机制

Establishment of new convenient two-line system for hybrid production by targeting mutation of *OPR3* in allopolyploid *Brasscia napus*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad218
微信导读：Hortic Res | 中国农科院油料作物逆境生物学与抗性改良团队创制一种新型的智能两系授粉控制系统

Light quality regulates plant biomass and fruit quality through a photoreceptors-dependent HY5-LHC/CYCB module in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad219
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学李天来与王峰团队揭示光信号调控番茄产量与品质形成的分子机制

Network of GRAS transcription factors in plant development, fruit ripening and stress responses
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad220
转录因子 GRAS 在植物发育、果实成熟和胁迫反应中的调控网络

Function identification of miR159a, a positive regulator during poplar resistance to drought stress
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad221
微信导读：Hortic Res |北京林业大学王延伟教授团队揭示 miR159a 在杨树抗旱中的调控机制

Phosphate deficiency induced by infection promotes synthesis of anthracnose-resistant anthocyanin-3-O-galactoside phytoalexins in *Camellia sinensis* plant
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad222
侵染诱导的缺磷促进了茶树体内抗炭疽病花青素- 3 - O -半乳糖苷类植物抗毒素的合成

Uncovering the miRNA-mediated regulatory network involved in Ma bamboo (*Dendrocalamus latiflorus*) de novo shoot organogenesis
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad223
揭示 miRNA 介导的参与麻竹新梢器官发生的调控网络

Characterization of PetM cytochrome *b6f* subunit 7 domain-containing protein in tomato
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad224
番茄 PetM 细胞色素 b6f 复合物亚基 7 结构域蛋白的特性分析

The dynamic arms race during the early invasion of woodland strawberry by *Botrytis cinerea* revealed by dual dense high-resolution RNA-seq analyses
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad225
微信导读：Hortic Res 12 月封面文章 | 南京农业大学揭示灰霉菌入侵草莓的早期动态军备竞赛过程

Berry texture QTL and candidate gene analysis in grape (*Vitis vinifera* L.)
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad226
微信导读：Hortic Res | 沈阳农业大学郭印山团队在葡萄果实质地形成方面取得新进展

Promotor insertion leads to polyembryony in mango – a case of convergent evolution with citrus
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad227
启动子的插入事件诱导芒果的多胚性——与柑橘趋同进化的案例

StSN2 interacts with the brassinosteroid signaling suppressor StBIN2 to maintain tuber dormancy
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad228
微信导读：Hortic Res | 四川农业大学农学院王西瑶团队揭示 StSN2 与 StBIN2 互作维持马铃薯块茎休眠的分子机制

Physiological and molecular bases of the boron deficiency response in tomatoes
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad229
微信导读：Hortic Res | 山西农业大学徐进教授团队揭示番茄对缺硼响应的生理分子基础

ERF5.1 modulates carotenoid accumulation by interacting with *CCD4.1 in Lycium*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad230
微信导读：Hortic Res | 宁夏农林科学院枸杞种质资源遗传改良团队阐明 ERF5.1 调控枸杞类胡萝卜素积累分子机制

CsMYB67 participates in the flavonoid biosynthesis of summer tea leaves
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad231
Cs MYB67 参与茶叶类黄酮的生物合成

The red/far-red light photoreceptor FvePhyB regulates tissue elongation and anthocyanin accumulation in woodland strawberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad232
红光/远红光光受体 FvePhyB 调控森林草莓的组织伸长和花青苷积累

LncRNAs exert indispensable roles in orchestrating the interaction among diverse noncoding RNAs and enrich the regulatory network of plant growth and its adaptive environmental stress response
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad234
微信导读：Hortic Res 综述 | 中国农业大学发现 LncRNAs 在非编码 RNAs 协调调控植物生长及响应环境胁迫网络中发挥重要作用

Gap-free genome assembly and *CYP450* gene family analysis reveal the biosynthesis of anthocyanins in *Scutellaria baicalensis*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad235
微信导读：Hortic Res | 黄芩的 T2T 基因组组装和 CYP450 基因家族分析揭示了黄芩花青素的生物合成

Diverse *O*-methyltransferases catalyze the biosynthesis of floral benzenoids that repel aphids from the flowers of waterlily *Nymphaea prolifera*
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad237
微信导读：Hortic Res | 南京农业大学观赏植物生物技术实验室揭示花生花睡莲花香苯丙烷类物质生物合成过程及趋避蚜虫的生物学功能

Gene editing of *authentic Brassica rapa flavonol synthase 1* generates dihydroflavonol-accumulating Chinese cabbage
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad239
对 *FLS1* 进行基因编辑产生二氢黄酮醇富集的大白菜

Rosaceae Fruit Transcriptome Database (ROFT) – a useful genomic resource for comparing fruits of apple, peach, strawberry, and raspberry
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad240
微信导读：Hortic Res | 马里兰大学刘重持教授团队发表蔷薇科果实比较转录组数据库

High-quality assembly and methylome of a Tibetan wild tree peony genome (*Paeonia ludlowii*) reveal the evolution of giant genome architecture
原文链接：https://doi.org/10.1093/hr/uhad241
西藏野生牡丹基因组（大花黄牡丹）的高质量组装和甲基化揭示了超大基因组结构的进化